

Poença Celíaca
Rastreamento de polimorfismos para diagnóstico

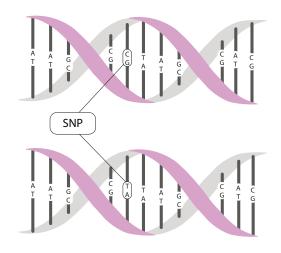
DO LABORATORIO PARA O CONSULTÓRIO

A Medicina Personalizada se utiliza dos novos métodos de análise molecular do genoma humano permitindo que tanto critérios diagnósticos quanto a terapia medicamentosa assumam um caráter individualizado, desta forma, a sequência genômica de cada paciente torna-se determinante para a tomada de decisões clínicas.¹

A partir de dados do sequenciamento do DNA humano, constatou-se que, apesar das profundas diferenças existentes entre os indivíduos quanto a seus fenótipos (cor da pele, peso, altura), seus genomas apresentam similaridade de cerca de 99,9%. A pequena variação interindividual de 0,1% se dá, principalmente, por meio de variações na sequência do DNA conhecidas como polimorfismos de nucleotídeo único (single nucleotide polymorphism; SNP), que existem aos milhões no genoma humano. Muitas vezes, os SNPs podem levar a mudanças na estrutura, função, quantidade ou localização das proteínas codificadas, alterando inúmeros processos fisiológicos. Além de

interferirem em características físicas, os SNPs também podem influenciar o risco para doenças crônicas não-transmissíveis, necessidades de nutrientes e resposta aos alimentos.²





Duas sequências de fragmentos do DNA de diferentes individuos demonstrando uma variação na localização de um nucleotídeo único (polimorfismo C-T).⁴

Figura 1. Polimorfismo de nucleotídeo único (single nucleotide polymorphism; SNP).4

Com relação à terminologia, SNP descreve uma variação genética que existe na população humana em frequência ≥ 1%, enquanto que o termo MUTAÇÕES corresponde à variações genéticas existentes em < 1% da população humana.²

TESTES GENÉTICOS EM AMOSTRA DE SALIVA POSSUEM SENSIBILIDADE E PRECISÃO SEMELHANTES AO TESTE PADRÃO COM AMOSTRA DE SANGUE

Os testes genéticos são realizados em uma variedade de amostras biológicas, incluindo sangue, saliva, fezes, tecidos corpóreos, ossos ou cabelos.³

Estudos epidemiológicos para desenvolvimento de biobancos de DNA tem utilizado métodos de coleta menos invasivos, como as células epiteliais bucais coletadas da saliva.³⁻⁷

O DNA isolado de amostras da saliva em comparação ao DNA isolado do sangue não apresenta quantidade e pureza significativamente diferentes. Entretanto, o rendimento do DNA extraído da saliva é significativamente menor quando comparado ao extraído do sangue. Isto ocorre por conta do maior volume de sangue coletado (8.5 ml) em comparação com o volume de saliva (0.5 ml).⁵

DNA	Pureza (A260/A280)	Rendimento (µg)
Sangue (n = 45)	1.85 ± 0.004	253.63 ± 26.6
Saliva (n= 42)	1.85 ± 0.02	21.09 ± 3.64
T-test P-value	0.709	1.32142 x 10 ⁻¹¹

Tabela 1. Pureza e rendimento do DNA coletado de amostras de sangue em comparação com amostras de saliva.⁵

Apesar do menor rendimento do DNA extraído da saliva, a concordância genotípica para todos os marcadores analisados por Microarray é alta, com concordância de 98,7% em ambos os tecidos.⁵
No estudo de comparação do desempenho genotípico entre DNA extraído da saliva e o extraído do sangue, a maioria das amostras de saliva (90%), contendo 31,3% de DNA humano amplificável, tiveram uma porcentagem de genótipos válidos (genotyping call rate) superior a 96%.⁵

Um outro estudo comparativo demonstrou que a porcentagem de genótipos válidos (genotyping call rate) para o DNA extraído do sangue foi de 99%, comparável com a porcentagem de genótipos válidos para o DNA extraído da saliva, de 97%.6

FIGURA 2. Associação entre a porcentagem de DNA humano na saliva e a porcentagem de genótipos válidos.⁵

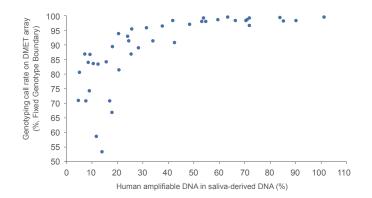
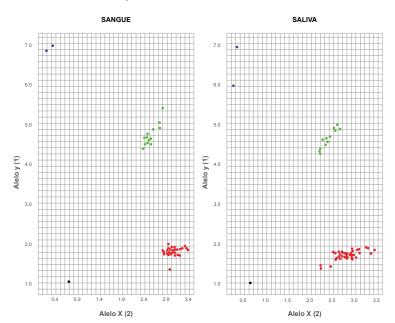
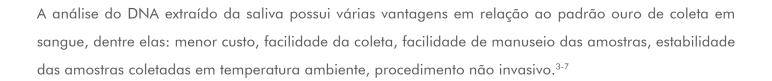


FIGURA 3. Plot Taqman da amplificação representativa para SNP (polimorfismos de nucleotídeo único) ilustrando a correspondência da força do sinal e da definição dos clusters para o DNA de ambas as fontes, sangue e saliva.⁶





ASPECTOS GENÉTICOS ASSOCIADOS À DOENÇA CELÍACA

A suscetibilidade genética da doença celíaca (DC) é determinada pelo antígeno de histocompatibilidade - HLA (Human leukocyte antigen). Os genes do sistema HLA estão presentes no braço curto do cromossomo 6 (6p21.3) e são divididos em três classes: I, II e III. Os genes HLA de classe I e II codificam proteínas MHC de classe I e II que apresentam antígenos peptídicos para reconhecimento pelos linfócitos T. Já os genes HLA de classe III codificam proteínas do sistema complemento.^{8,9}

Os genes HLA que originam as moléculas MHC de classe II e estão associados à DC, codificam heterodímeros formados por duas cadeias α e β que formam a molécula de MHC presente na membrana de células apresentadoras de antígenos ou (Antigen Presenting Cells - APCs).^{8,9}

Esses genes HLA compreendem três conjuntos de genes polimórficos denominados HLA-DR (HLA-DRA e HLA-DRB1), HLA-DP (HLA-DPA1 e HLA-DPB1) e HLA-DQ (HLA-DQA1 e HLA-DQB1). A designação do loci dos genes HLA de classe II no cromossomo 6 consiste de três letras: a primeira (D) indica a classe (II), a segunda (Q, P ou R) a família, e a terceira (A ou B) indica a cadeia do heterodímero (α ou β, respectivamente).^{8,9,10}

Predisposição Genética à Doença Celíaca^{9,10,11,12}

A suscetibilidade genética para DC está associada aos heterodímeros HLA-DQ2 e HLA DQ8. O heterodímero DQ2 é codificado pelos alelos DQA1*05 (cadeia α) e DQB1*02 (cadeia β); já o DQ8 é codificado pelos alelos DQA1*03:01 (cadeia α) e DQB1*03:02 (cadeia β).^{8,9,10}

Pelo menos 95% dos pacientes com DC estão associados com o HLA-DQ2, enquanto que o resto, que não apresenta HLA DQ2, apresenta HLA do tipo DQ8.9,10,11,12

TABELA 2. Risco de Predisposição Genética à Doença Celíaca.9,10,11,12

Condição	Risco
População geral	1/100
Indivíduos com HLA-DQ2 ou HLA-DQ8	1/5
Parentes de primeiro-grau com HLA desconhecido	1/10
Parentes de primeiro grau com DQ2 ou DQ8+	1/3
Parentes de segundo-grau com HLA desconhecido	1/39
Gêmeos idênticos	75%
Pacientes assintomáticos	1/56
Grupos sem risco	1/133
Portadores de Diabetes Tipo 1	8 a 10%
Portadores de Diabetes Tipo 1 +DQ2/DQ2	33%
Síndrome de Down ou de Williams ou de Turner	5 a 10%

Aplicabilidade clínica do teste genético para a DC^{11,12}

Vale ressaltar que a DC é uma doença autoimune que é desencadeada somente em presença de glúten na dieta. A presença dos genes associados (HLA DQ2/DQ8) à DC não pode ser considerado um diagnóstico definitivo desta doença, porém a sua ausência essencialmente exclui o diagnóstico da DC. A análise molecular não substitui a biópsia de intestino delgado que continua sendo a propedêutica padrão ouro para o diagnóstico de DC. Mais de 95% dos celíacos sintomáticos diagnosticados pelo padrão ouro possuem o perfil genético HLA DQ2/DQ8 associado à DC.^{11,12}

TABELA 3. Diretrizes da Sociedade Brasileira de Endoscopia Digestiva para o diagnóstico da DC.¹²

"A DC é uma importante candidata a triagem neonatal, do ponto de vista saúde-pública, baseando-se nos alelos HLA-DQ".

Devido à natureza da DC e a sua alta prevalência em grupos de risco (grau de parentesco, Diabetes, Síndrome de Down. (Ver Tabela 2).

"Se após testes sorológicos negativos ainda há forte suspeita de DC, pode-se proceder com o HLA do paciente. Se DQ2 ou DQ8 estiverem presentes, deve-se realizar a biópsia duodenal". Cerca de 95 - 98% dos celíacos sintomáticos diagnosticados pelo padrão ouro, possuem o perfil genético HLA DQ2/DQ8 associado à DC. Em caso de HLA DQ2/DQ8 positivo e sorologia negativa, o paciente pode ter deficiência de IgA. Os testes laboratoriais mais comumente encontrados no mercado detectam IgA. O indivíduo pode ser IgA negativo e, neste caso, a DC pode ser mediada por IgG. Caso haja o perfil genético positivo em casos com sorologia negativa, recomendam-se novos testes sorológicos para análise de IgG.

"Testes sorológicos e HLA positivos são apenas indicativos de DC. A biópsia do duodeno é que faz o diagnóstico definitivo". Apesar da sensibilidade e da especificidade da genotipagem do HLA para DC serem tecnicamente de 100%, existem casos de celíacos que não possuem este perfil genético (<1%). Por isso, ainda se faz necessário a combinação de mais de uma técnica de laboratório para a confirmação da DC.

ANÁLISE DE MUTAÇÃO DO DNA POR PCR E SEQUENCIAMENTO DE NUCLEOTÍDEOS

A partir de uma amostra de DNA genômico de células da mucosa bucal, seguem-se os seguintes procedimentos:

- Genotipagem de tag-SNPs associados aos alelos HLA classe II que correspondem aos haplótipos DQ2 (DQ2.2 e DQ2.5), DQ4, DQ7 e DQ8.
- A análise determina:
 - A presença ou ausência dos alelos relacionados acima no par de cromossomos do indivíduo e, por isso, determina homozigose ou heterozigose.
 - A genotipagem que corresponde às cadeias alfa e beta das proteínas do HLA classe II relacionados acima.

REEMBOLSO PLANOS DE SAUDE

A tabela TUSS (Terminologia Unificada da Saúde Suplementar) foi instituída pela Agência Nacional de Saúde Suplementar (ANS), através de sua Instrução Normativa nº 38, de 13 de novembro de 2009 e tem por objetivo padronizar os códigos e nomenclaturas dos procedimentos médicos.¹³

A tabela TUSS inclui o procedimento de testes genéticos, como o DNALIFE, e os classifica pela doença que se pretende diagnosticar ou pela tecnologia de análise genética utilizada. Assim, é possível orientar o paciente para que ele solicite o reembolso dos Exames Genéticos DNALIFE facilitando assim o acesso a esta nova tecnologia.

Orientações para solicitar reembolso

Colocar no pedido de exames:

- Os dados necessários do paciente;
- Especificação do EXAME solicitado;
- O código e a descrição da Tabela TUSS.

Solicite que o paciente entre em contato com o seu plano de saúde e confirme a cobertura destes códigos e o valor do reembolso, podendo estas informações facilitar o pedido de reembolso por parte do paciente. Informe que o reembolso, contudo, continuará seguindo as mesmas normas (de acordo com a modalidade e regulamento do plano), **não significando que o usuário terá as despesas reembolsadas integralmente.**

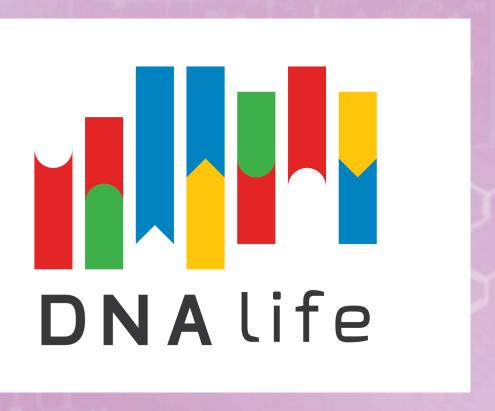
TABELA 4. Tabela de codificação do Exame DNALIFE:

Nome Comercial DNALIFE	Cód TUSS	Descrição TUSS
Doença Celíaca por Genotipagem do Sistema HLA	40306887	Genotipagem do Sistema HLA

Referências:

- 1. B S Shastry. Pharmacogenetics and the concept of individualized medicine. The Pharmacogenomics Journal (2006) 6, 16–21.
- 2. Miae Doo and Yangha Kim. Obesity: Interactions of Genome and Nutrients Intake. Prev. Nutr. Food Sci. 2015;20(1):1-7.
- 3. Fanyue Sun, Ernst J Reichenberger. Saliva as a Source of Genomic DNA for Genetic Studies: Review of Current Methods and Applications. Oral Health Dent Manag 2014 Jun;13(2):217-22.
- 4. Ana P Nunes, et al. Quality of DNA extracted from saliva samples collected with the Oragene™ DNA self-collection kit. BMC Medical Research Methodology 2012, 12:65.
- 5. Hu Y, Ehli EA, Nelson K, Bohlen K, Lynch C, et al. (2012) Genotyping Performance between Saliva and Blood-Derived Genomic DNAs on the DMET Array: A Comparison. PLoS ONE 7(3): e33968. doi:10.1371/journal.pone.0033968.
- 6. Jean E Abraham, et al. Saliva samples are a viable alternative to blood samples as a source of DNA for high throughput genotyping. BMC Medical Genomics 2012, 5:19.
- 7. Küchler EC, et al. Buccal cells DNA extraction to obtain high quality human genomic DNA suitable for polymorphism genotyping by PCR-RFLP and Real-Time PCR. J Appl Oral Sci. 2012 Jul-Aug;20(4):467-71.
- 8. NCBI Gene Reviews. [Online] 2010. Disponível em: < http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK1727/. Acesso em 29 de maio de 2015.
- 9. Francesca Megiorni and Antonio Pizzuti. HLA-DQA1 and HLA-DQB1 in Celiac disease predisposition: practical implications of the HLA molecular typing. Journal of Biomedical Science 2012, 19:88
- 10. Bourgey M et al. HLA related genetic risk for coeliac disease. Gut 2007 Aug;56(8):1054-9.
- 11. World Gastroenterology Organisation Global Guidelines. Celiac disease. April 2012. Disponivel em: < http://www.worldgastroenterology.org/site-search.html>. Acesso em 29 de maio de 2015.
- 12. SOBED. Projeto Diretrizes. Sociedade Brasileira de Endoscopia Digestiva. Gestão 2009-2010. Sociedade Brasileira de Endoscopia Digestiva. [Online] 2009. http://www.sobed.org.br/web/pdf/DOEN%C3%87A_CEL%C3%8DACA.pdf. Acesso em 29 de maio de 2015.
- 13. Instrução Normativa 38 de 13 de novembro de 2009 da Agencia Nacional de Saúde.

Caso tenha interesse em receber algum dos artigos listados acima, solicite ao representante que o visita ou entre em contato através do email contato@dnalife.com.br



Rua Lauro Vicuna, 489 - Alto de Pinheiros - CEP 05454-090- São Paulo/SP - Brasil

> www.dnalife.com.br Tel.: 11 3021-3704 contato@dnalife.com.br